

SEQUENCE LISTING

<110> BRUGGEMANN, Marianne

<120> Genetically-modified non-human mammals and cells

<130> M0106.70004US00

<140> PCT/GB2004/000768

<141> 2004-02-26

<150> GB 0304374.2

<151> 2003-02-26

<160> 21

<170> PatentIn version 3.1

<210> 1

<211> 64

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Forward primer BamHI - lox P - puro

<400> 1

tttggatcca taacttcgta taatgtatgc tatacgaagt tatcgacctc gaaattctac 60

cggg 64

<210> 2

<211> 28

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Reverse primer oligo BclI - puro

<400> 2

tttgcgttcgtc tgatctcggtt cttcaggc

28

<210> 3

<211> 18

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Forward primer

<400> 3

aacctgacat gttcctcc

18

<210> 4

<211> 18

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Reverse primer

<400> 4

gggatttagct gagtggtgg

18

<210> 5

<211> 27

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> P1 V000818f pri MIgHK01F forward primer that binds to the mu region

<400> 5
agagccccct gtctgataag aatctgg

27

<210> 6
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>

<223> P2 Purinomycinr pri MIgHK02R reverse primer that binds to the mu region

<400> 6
tggatgtgga atgtgtgcga ggc

23

<210> 7
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>

<223> P3 Neomycinf pri MIgHK03F forward primer that binds to the 3' enhancer region

<400> 7
tgctttacgg tatcgccgct ccc

23

<210> 8
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>

<223> P4 X96607r pri MIgHK04R reverse primer that binds to the 3' enhancer region

<400> 8
gagtcggcat ccccaaggct gg

22

<210> 9
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Cre forward primer
<400> 9
ggacatgttc aggatcgcc agg

23

<210> 10
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Cre reverse primer
<400> 10
gatacgctggc tggcaga tgg

23

<210> 11
<211> 28
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Gamma 2a primer
<400> 11
gttagctatcc ttccaccc agttcttc

28

<210> 12
<211> 28
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Gamma 2a a reverse primer

<400> 12
gtagctatTT ctttccacCC agttctTC 28

<210> 13

<211> 28

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Gamma 2a b reverse primer

<400> 13
gaaaagactt cctctttccc aagtgcTC 28

<210> 14

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> DF forward primer

<400> 14
gcatgtctca aagcacaatG 20

<210> 15

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> DQ52 reverse primer

<400> 15
accctggaca caggaaacac 20

<210> 16
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> VJ558L forward primer
<400> 16
atggatgga gctggatctt 20

<210> 17
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> VJ558CL forward primer
<400> 17
atggatgga gctgggtctt 20

<210> 18
<211> 26
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> JH1-4 reverse primer
<400> 18
gagaccdgtga shrdrgrtbcc tksrcc 26

<210> 19
<211> 24
<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> lamin forward primer

<400> 19

gtatgaggcg gcactaaact ctaa

24

<210> 20

<211> 24

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> lamin reverse genomic primer

<400> 20

gaagccactg aagaacacaa atag

24

<210> 21

<211> 24

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> lamin reverse cDNA primer

<400> 21

tacgaaactc caagtccctca gtaa

24